

Leistungsspektrum Tumorgenetik:

Karyotypanalyse und FISH-Analysen bei hämatologischen Systemerkrankungen

	Konventionelle Chromosomenanalyse	routinemäßig	auffälliger Karyotyp/ wenn gewünscht	Dauer [Tage] ca.
	Karyotypbestimmung nach GTG-Bänderung, bei Bedarf C-Bänderung, NOR-Färbung	X	X X	7-14
Chromosom	FISH Analyse zum Nachweis spezifischer Chromosomen- bzw. Gen-Veränderungen	routinemäßig bei	auffälliger Karyotyp/ wenn gewünscht	Dauer [Tage] ca.
	Aneuploidien (für alle Chromosomen möglich)	X (CLL: +12)	X	4-14
	Chimerismusanalyse nach gegengeschlechtlicher Transplantation (X/Y – Sonden)	X		4-14
	Identifizierung von Markerchromosomen (Einfarben- bis 24-Farben-FISH), Subcen-Mix, Multicolor-Bänderung (MCB)		X	4-14
1	Translokation t(1;19)(q23;p13.3) ; Genkolokalisation TCF3 / PBX1		X	4-14
3	Inversion inv(3)(q21q26); Translokation t(3;3)(q21;q26)		X	4-14
	Deletion del(3)(q27); BCL6-Gen		X	4-14
4	Deletion 4q12; FIP1L1-CHIC2-PDGFR		X	4-14
5	Translokation 5q33; PDGFRB		X	4-14
	Deletion 5q31 (EGR1)		X	4-14
6	Deletion 6q21 (SEC63)		X	4-14
7	Deletion 7q31 (D7S486)		X	4-14
8	Translokation t(8;21)(q22;q22); Genkolokalisation ETO / AML1		X	4-14
	Amplifikation / Translokation 8q24 (c-MYC); t(8;?)(q24;?)		X	4-14
	8p12 ; FGFR1-Rearrangements		X	4-14
9	Translokation t(9;22); Genkolokalisation BCR / ABL	X (CML)	X	4-14
	Deletion 9q34 bei t(9;22)		X	4-14
	Deletion 9p21 (p16)		X	4-14
11	Genrearrangements oder numerische Veränderungen des MLL-Gens (11q23)		X	4-14
	Verlust des ATM-Gens (11q22.3)	X (CLL)	X	4-14
	Amplifikation von CCND1/Cyclin D1 (11q13) / Translokation t(11;?)(11q13;?)		X	4-14
	Translokation t(11;18)(q21;q21); Genkolokalisation API2 / MALT1		X	4-14
12	12p13 ; ETV6(TEL)		X	4-14
	Translokation t(12;21)(p13;q22); Genkolokalisation ETV6 / RUNX1 (TEL / AML1)		X	4-14
13	Deletion 13q14 (RB1-Gen + D13S319S)	X (CLL, MM)	X	4-14
14	14q32 Rearrangements; IGH Gensplitting	X (CLL)	X	4-14
	Translokation t(4;14)(p16;q32); Genkolokalisation IGH / FGFR3	X (MM)	X	4-14
	Translokation t(8;14)(q24;q32); Genkolokalisation IGH / MYC		X	4-14
	Translokation t(11;14)(q13;q32); Genkolokalisation IGH / CCND1	X (MM)	X	4-14

	Translokation t(14;18)(q32;q21); Genkolokalisation IGH / BCL2		X	4-14
16	Inversion inv(16) oder Translokation t(16;16); CBFβ-Gensplitting		X	4-14
17	Deletion 17p13 (p53-Gen)	X (CLL, MM)	X	4-14
	Translokation t(15;17)(q22;q21), Genkolokalisation PML / RARA bzw. RARA-Gensplitting		X	4-14
20	Deletion 20q12 (D20S108)		X	4-14
22	Translokation (EWSR1); t(?;22)(?;q12.2)		X	4-14

Material:

- Blut: 5 - 10 ml (Heparin)
- Knochenmarkspirat: 2 - 5 ml (Heparin)
- 4 Knochenmarkausstriche bei Verdacht auf Plasmozytom / Multiples Myelom (MM), ungefärbt, Plasmazellzahl von mind. 10% für FISH-Analyse erforderlich
- Tumore (Steril!!!, mit physiologischer Kochsalz-Lösung oder RPMI-Medium)

Stand: Februar 2013